

CODICE INTERNO	Descrizione indagine	cod prestaz. cat Regionale	Cod. Patologia	Descrizione prestazione	N.	Costo unitario	Costo Totale
<b>ONCOEMATOLOGIA</b>							
	PRELIEVO VENOSO	91.49.2		PRELIEVO VENOSO			
<b>934</b>	ANAL. MUTAZ. X LEUCEMIA MIELOIDE CRONICA(BCR-ABL)	G1010E016	E016	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	450	450
<b>V617-V617F-931-CALR+MPL-934</b>	ANAL. MUTAZ. X POLICITEMIA VERA	G0210E010	E010	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo (JAK2+Esone 12)	1	800	800
<b>V617-V617F-931-CALR+MPL-934</b>	ANAL. MUTAZ. X TROMBOCITEMIA ESSENZIALE	G0210E011	E011	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo (JAK + CALR+ MPL)	1	800	800
<b>V617-V617F-931-CALR+MPL-934</b>	ANAL. MUTAZ. X MIELOFIBROSI	G0210E008	E008	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo (JAK + CALR+ MPL)	1	800	800
<b>7911-931</b>	ANAL. MUTAZ. X IPEREOSINOFILIA	G0210E002	E002	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo(PDGFR	1	900	900
<b>CKIT2</b>	ANAL. MUTAZ. X MASTOCITOSI	G1.0210	G0210E006	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo		800	
<b>7891-7892-7893-7894-7895-7898-7904</b>	ANAL. MUTAZ. X TROMBOFILIE	G0210P989	P989	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	800	800
<b>APOE</b>	ANAL. MUTAZ. X ALZHEIMER FAMILIARE	G021P040	P040	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo(APOE)		800	800
<b>8382</b>	ANAL. MUTAZ. X MALATTIA CELIACHIA	G1.0210	G0210F009	Analisi mutazionale di malattia che necessita		800	800

				da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo			
<b>805-806-807</b>	ANAL. MUTAZ. X ALTERAZIONI CONGENITE DEL METABOLISMO DEL FERRO - ANEMIA IPOCROMICA CON SOVRACCARICO DI FERRO	G1.01	G1010P037	Analisi mutazionale di malattia che necessita di un solo gene per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo		450	
<b>805-806-807</b>	ANAL. MUTAZ. X EMOCROMATOSI EREDITARIA	G0210P428	P428	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	900	900
<b>1001-1001-1002</b>	ANAL. MUTAZ. X FIBROSI CISTICA	G1010P464	P464	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	450	450
<b>HLAB27</b>	ANAL. MUTAZ. X ARTRITE REUMATOIDE	G1010F005	F005	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	450	450
<b>HLAB27</b>	ANAL. MUTAZ. X ARTRITE PSORIASICA	G0210F003	F003	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo HLAC06	1	800	800
<b>8384</b>	ANAL. MUTAZ. X TALASSEMIA ALFA	G1010P973	P973	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	450	450
<b>8384</b>	ANAL. MUTAZ. X TALASSEMIA BETA	G1010P974	P974	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	450	450
<b>8384</b>	ANAL. MUTAZ. X TALASSEMIA DELTA	G1010P975	P975	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	450	450
<b>8383-8384</b>	ANAL. MUTAZ. X EMOGLOBINOPATIE	G0210P431	P431	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	900	900
<b>HLA B51</b>	ANAL. MUTAZ. X BECHET, MALATTIA DI	G1010F006	F006	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	450	450

<b>DA CODIFICARE</b>	RICERCA DI MUTAZIONI NOTE/POLIMORFISMI NOTI. Farmacogeneticadei geni del metabolismo dei farmaci: CYP2D6	G3.01	G30100001	RICERCA DI MUTAZIONI NOTE/POLIMORFISMI NOTI. Farmacogenetica dei geni del metabolismo dei farmaci: CYP2D6	1	65	65,00 □
<b>CYP2C19</b>	RICERCA DI MUTAZIONI NOTE/POLIMORFISMI NOTI. Farmacogenetica dei geni del metabolismo dei farmaci: CYP2C19	G3.02	G30200001	RICERCA DI MUTAZIONI NOTE/POLIMORFISMI NOTI. Farmacogenetica dei geni del metabolismo dei farmaci: CYP2C19	1	65	65
<b>UGT1A1</b>	RICERCA DI MUTAZIONI NOTE/POLIMORFISMI NOTI.FARMACOGENETICA IN ONCOLOGIA: UGT1A1	G3.03	G30300001	RICERCA DI MUTAZIONI NOTE/POLIMORFISMI NOTI.FARMACOGENETICA IN ONCOLOGIA: UGT1A1	1	65	65,00 □
<b>DA CODIFICARE</b>	ANAL. MUTAZ. X DEFICIT DI DIIDROPTERIDINA REDUTTASI	G1010P284	P284	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo DPYP	1	450	450
<b>7891-7892</b>	ANAL. MUTAZ. X DEFICIT DI METIONINA ADENOSILTRANSFERASI	G1010P302	P302	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo MTHFR	1	450	450
<b>7893</b>	ANAL. MUTAZ. X DEFICIT DI PROTROMBINA	G1010P319	P319	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo FII	1	450	450,00 □
<b>7895-7904</b>	ANAL. MUTAZ. X DEFICIT DI FATTORE V	G1010P286	P286	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo FV	1	450	450
<b>7898</b>	ANAL. MUTAZ. X DEFICIT CONGENITO DI INIBITORE 1 DELL'ATTIVATORE DEL PLASMINOGENO	G0210P236	P236	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo PAI-1	1	900	900
<b>DA CODIFICARE</b>	ANAL. MUTAZ. X CISTATIONINURIA	G1010P185	P185	Analisi mutazionale di malattia che necessita di 1 gene per la diagnosi. Sequenziamento e/o eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo CBS	1	450	450
<b>BRCA</b>	ANAL. MUTAZ. X CARCINOMA MAMMARIO E OVARICO EREDITARIO	G0210P125	P125	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo BRCA1/A2	1	800	800
<b>BRCA</b>	ANAL. MUTAZ. X CARCINOMA MAMMARIO E OVARICO EREDITARIO	G0210P126	P126	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi.	1	800	800

	APPROFONDIMENTO DIAGNOSTICO			Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo			
<b>NAFLD</b>	ANAL. MUTAZ. X IPERCOLESTEROLEMIE FAMILIARI	G0210P518	P518	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	800	800
<b>NAFLD</b>	ANAL. MUTAZ. X IPERTRIGLICERIDEMIE	G0210P538	P538	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	1	800	800
<b>DA CODIFICARE</b>	STATO MUTAZIONALE EGFR	91.60.1	91601G001	STATO MUTAZIONALE EGFR X CARCINOMA POLMONARE NON A PICCOLE CELLULE		151	
<b>DA CODIFICARE</b>	STATO MUTAZIONALE EGFR	91.60.1	91601G101	STATO MUTAZIONALE EGFR X CARCINOMA POLMONARE NON A PICCOLE CELLULE, ISTOTIPO ADENOCARCINOMA - PER SCELTA TERAPEUTICA ADIUVANTE		151	
<b>DA CODIFICARE</b>	RIARRANGIAMENTO ALK. In caso di negatività incluso: ROS1	91.60.2	91602G001	RIARRANGIAMENTO ALK. In caso di negatività incluso: ROS1 X CARCINOMA POLMONARE NON A PICCOLE CELLULE		196,75	
<b>DA CODIFICARE</b>	STATO MUTAZIONALE K-RAS, N-RAS	91.60.3	91603G002	STATO MUTAZIONALE K-RAS e N-RAS X CARCINOMA DEL COLON RETTO		256	
<b>DA CODIFICARE</b>	STATO MUTAZIONALE H-RAS	91.60.4	91604.001	STATO MUTAZIONALE H-RAS		151,3	
<b>DA CODIFICARE</b>	STATO MUTAZIONALE K-RAS	91.60.5	91605.001	STATO MUTAZIONALE K-RAS		151,6	
<b>DA CODIFICARE</b>	STATO MUTAZIONALE B-RAF	91.60.6	91606E109	STATO MUTAZIONALE B-RAF X HAIRY-CELL LEUKEMIA - SOSP. DIAGN.		151,3	
<b>DA CODIFICARE</b>	STATO MUTAZIONALE B-RAF	91.60.6	91606G002	STATO MUTAZIONALE B-RAF X CARCINOMA DEL COLON RETTO		151,3	
<b>DA CODIFICARE</b>	STATO MUTAZIONALE B-RAF	91.60.6	91606G003	STATO MUTAZIONALE B-RAF X MELANOMA MALIGNO		151,3	
<b>DA CODIFICARE</b>	STATO MUTAZIONALE B-RAF	91.60.6	91606G004	STATO MUTAZIONALE B-RAF X TUMORI A ORIGINE DALLE CELLULE FOLLICOLARI DELLA TIROIDE		151,3	
<b>DA CODIFICARE</b>	INSTABILITA' MICROSATELLITARE	91.60.7	91607G002	INSTABILITA' MICROSATELLITARE X		151,6	

				CARCINOMA DEL COLON RETTO			
DA CODIFICARE	INSTABILITA' MICROSATELLITARE	91.60.7	91607G007	INSTABILITA' MICROSATELLITARE X CARCINOMA GASTRICO E DELLA GIUNZIONE ESOFAGO-GASTRICA, METASTATICO - SUSCETTIBILE DI TRATT. FARM.		151,6	
DA CODIFICARE	INSTABILITA' MICROSATELLITARE	91.60.7	91607G110	INSTABILITA' MICROSATELLITARE X CARCINOMA EPATOCELLULARE AVANZATO - SUSCETTIBILE DI TRATT. FARM.		151,6	
DA CODIFICARE	STATO MUTAZIONALE C-Kit	91.60.8	91608G005	STATO MUTAZIONALE C-Kit X TUMORI STROMALI GASTROINTESTINALI (GIST)		151,3	
DA CODIFICARE	STATO MUTAZIONALE PDGFRA	91.60.9	91609G005	STATO MUTAZIONALE PDGFRA X TUMORI STROMALI GASTROINTESTINALI (GIST)		151,6	
DA CODIFICARE	STATO HER2-neu	91.60.A	9160AG006	STATO HER2-neu X CARCINOMA MAMMARIO		151,3	
DA CODIFICARE	STATO HER2-neu	91.60.A	9160AG007	STATO HER2-neu X CARCINOMA GASTRICO		151,3	
DA CODIFICARE	METILAZIONE PROMOTORE MGMT	91.60.B	9160BG008	METILAZIONE PROMOTORE MGMT X TUMORI DEL SISTEMA NERVOSO CENTRALE (SNC)		151,6	
DA CODIFICARE	MUTAZIONI IDH1-2	91.60.C	9160CG008	MUTAZIONI IDH1-2 X TUMORI DEL SISTEMA NERVOSO CENTRALE (SNC)		151,3	
DA CODIFICARE	CODELEZIONE 1p/19q	91.60.D	9160DG008	CODELEZIONE 1p/19q X TUMORI DEL SISTEMA NERVOSO CENTRALE (SNC)		151,6	
7893-7895	ANAL. MUTAZ. X DEFICIENZA CONGENITA DEI FATTORI DELLA COAGULAZIONE	G1.0210	G0210P227	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo		800	
DA CODIFICARE	ANAL. MUTAZ. X LYNCH, SINDROME	G1.0210	G0210P607	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo		900	
DA CODIFICARE	ANAL. MUTAZ. X MELANOMA EREDITARIO, SINDROME DEL NEVO DISPLASTICO	G1.0210	G0210P683	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo		800	
DA CODIFICARE	ANAL. MUTAZ. X MELANOMA EREDITARIO, SINDROME DEL NEVO DISPLASTICO SECONDO LIVELLO	G1.0210	G0210P684	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo		800	

<b>8384</b>	ANAL. MUTAZ. X ANEMIA A CELLULE FALCIFORMI	G1.01	G1010P045	Analisi mutazionale di malattia che necessita di un solo gene per la diagnosi.Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	450	
<b>869</b>	ANAL. MUTAZ. X DEFICIT DI CITOCROMO P450 OSSIDOREDUCTASI	G1.01	G1010P281	Analisi mutazionale di malattia che necessita di un solo gene per la diagnosi.Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	450	
<b>DPYD</b>	ANAL. MUTAZ. X DEFICIT DI DIIDROPIRIMIDINA DEIDROGENASI	G1.01	G1010P282	Analisi mutazionale di malattia che necessita di un solo gene per la diagnosi.Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	450	
<b>DA CODIFICARE</b>	ANAL. MUTAZ. X POLIPOSI ADENOMATOSA FAMILIARE	G1.01	G1010P798	Analisi mutazionale di malattia che necessita di un solo gene per la diagnosi.Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	450	
<b>V617-V617F-931-CALR+MPL-934</b>	ANAL. GEN. X POLICITEMIA VERA - SOSP. DIAGN.	G8.01	G8010E010	ANALISI DI SEQUENZE GENICHE su 1 gene - Qualunque metodo. Incl. FISH.	300	
<b>V617-V617F-931-CALR+MPL-934</b>	ANAL. GEN. X LEUCEMIA MIELOIDE CRONICA - SOSP. DIAGN.	G8.01	G8010E016	ANALISI DI SEQUENZE GENICHE su 1 gene - Qualunque metodo. Incl. FISH.	300	
<b>V617-V617F-931-CALR+MPL-934</b>	AL. MUTAZ. X ALTRE SINDROMI MIELOPROLIFERATIVE (MPN)	G1.0210	G0210E013	Analisi mutazionale di malattia che necessita da 2 a 10 geni per la diagnosi. Sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo	900	
<b>DA CODIFICARE</b>	ANAL. GEN. X CARCINOMA MAMMARIO AVANZATO - SUSCETTIBILE DI TRATTAMENTO FARMACOLOGICO	G8.01	G8010G006	ANALISI DI SEQUENZE GENICHE su 1 gene - Qualunque metodo. Incl. FISH.	300	
<b>CKIT2</b>	ANAL.GEN. X MASTOCITOSI - SOSP. DIAGN.	G8.02	G8020E006	ANALISI DI SEQUENZE GENICHE AD AMPIO SPETTRO - Bassa Complessità (solo su DNA, da 2 a 20 geni o fino a 250 ampliconi/regioni target) - Qualunque metodo, incl. Sequenziamento massivo parallelo	850	
<b>V617-V617F-931-CALR+MPL-934</b>	ANAL.GEN. X MIELOFIBROSI - SOSP. DIAGN.	G8.02	G8020E008	ANALISI DI SEQUENZE GENICHE AD AMPIO SPETTRO - Bassa Complessità (solo su DNA, da 2 a 20 geni o fino a 250 ampliconi/regioni target) - Qualunque metodo, incl. Sequenziamento massivo parallelo	850	
<b>DA CODIFICARE</b>	ANAL.GEN. X PIASTRINOPENIE FAMILIARI - SOSP. DIAGN.	G8.02	G8020E009	ANALISI DI SEQUENZE GENICHE AD AMPIO SPETTRO - Bassa Complessità (solo su DNA, da 2 a 20 geni o fino a 250 ampliconi/regioni target) - Qualunque metodo, incl. Sequenziamento massivo	850	

				parallelo			
<b>V617-V617F-931-CALR+MPL-934</b>	ANAL.GEN. X LEUCEMIA MIELOIDE CRONICA - SUSCETTIBILE DI TRATT. FARM.	G8.02	G8020E106	ANALISI DI SEQUENZE GENICHE AD AMPIO SPETTRO - Bassa Complessità (solo su DNA, da 2 a 20 geni o fino a 250 ampliconi/regioni target) - Qualunque metodo, incl. Sequenziamento massivo parallelo			
<b>V617-V617F-931-CALR+MPL-934</b>	ANAL.GEN. X TROMBOCITEMIA ESSENZIALE - SOSP. DIAGN.	G8.02	G8020E011	ANALISI DI SEQUENZE GENICHE AD AMPIO SPETTRO - Bassa Complessità (solo su DNA, da 2 a 20 geni o fino a 250 ampliconi/regioni target) - Qualunque metodo, incl. Sequenziamento massivo parallelo		850	
<b>DA CODIFICARE</b>	CONSULENZA GENETICA ASSOCIATA AL TEST. Consulenza Genetica in paziente con ipotesi diagnostica specifica già formulata e con prescrizione di test genetico. Consulenza pre-test: spiegazione dei vantaggi e dei limiti del test genetico e somministrazione dei consensi informati (se non effettuati nell'ambito della visita). Consulenza post- test: spiegazione del risultato del test genetico	G9.01	G90100001	CONSULENZA GENETICA ASSOCIATA AL TEST. Consulenza Genetica in paziente con ipotesi diagnostica specifica già formulata e con prescrizione di test genetico. Consulenza pre-test: spiegazione dei vantaggi e dei limiti del test genetico e somministrazione dei consensi informati (se non effettuati nell'ambito della visita). Consulenza post-test: spiegazione del risultato del test genetico		25	

<b>VIROLOGIA</b>							
<b>BK QL/QT 833-834 (PLASMA); BK QL 832 (URINE); JCV QL/QT 857-859 (PLASMA); JCV QL 858 (URINE); JCV QL 862 (LIQUOR); HHV8 QL/QT 865-8651 (WB); HHV6 QL/QT 864-8641 (WB); HSV1 QL/QT 866-8661 (WB); HSV2 QL/QT 867-8671 (WB); EV QL/QT 868-8681 (PLASMA); EV QL 8682 (LIQUOR); PVB19 QL/QT 860-861 (WB); PVB19</b>	VIRUS ACIDI NUCLEICI IN MATERIALI BIOLOGICI. RICERCA QUALITATIVA/QUANTITATIVA. Incluso: estrazione, eventuale retrotrascrizione, amplificazione e rivelazione	9112B.001			1	51	

<b>QL 863 (LIQ.AMNIOTICO).</b>							
<b>790 (WB) - 7902 (URINE) - 7905 (LIQUOR ) -7906 (FECI) - 7907 (SALIVA) - 7908 (LATTE) -7909 (LIQ.AMNIOTICO)</b>	VIRUS CITOMEGALOVIRUS: ANALISI QUALITATIVA DEL DNA. Incluso: estrazione, amplificazione, rilevazione	9115B,001				49,35 □	
<b>7901 (WB)</b>	VIRUS CITOMEGALOVIRUS: ANALISI QUANTITATIVA DEL DNA. Incluso: estrazione, amplificazione, rilevazione	9115C.001		VIRUS CITOMEGALOVIRUS: ANALISI QUANTITATIVA DEL DNA. Incluso: destrazione, amplificazione, rilevazione	1	44,30 □	44,30 □
<b>835 -836 (WB) ; 839-840 (PLASMA)</b>	VIRUS EPSTEIN BARR [EBV] ANALISI QUALITATIVA/QUANTITATIVA del DNA. Incluso: estrazione, amplificazione, rilevazione	9121D,001				46,1	
<b>6151</b>	VIRUS IMMUNODEFICENZA ACQUISITA [HIV ] ANALISI QUANTITATIVA DI RNA. Incluso: estrazione, amplificazione, rilevazione	91.22.3				72	
<b>615</b>	VIRUS IMMUNODEFICENZA ACQUISITA [HIV ] ANALISI QUALITATIVA DI DNA provirale. Incluso: estrazione, amplificazione, rilevazione	91222,001				32,3	



<b>HIV1R</b>	VIRUS IMMUNODEF. ACQUISITA [HIV] ANALISI DI MUTAZIONE DELL'ACIDO NUCLEICO per rilevamento resistenze ai farmaci antivirali. Incluso: estrazione, retrotrascrizione, amplificazione, sequenziamento o altro metodo	91237,001				694,5	
	VIRUS GENOTIPIZZAZIONE NAS. Incluso: estrazione, amplificazione, ibridazione inversa o altro metodo	91219001		VIRUS GENOTIPIZZAZIONE NAS. Incluso: estrazione, amplificazione, ibridazione inversa o altro metodo		84,55	
<b>HBV QL/QT 610-6102</b>	VIRUS EPATITE B [HBV] ANALISI QUALITATIVA DI HBV DNA. Incluso: estrazione, amplificazione, rilevazione (x2)	9116B.001		VIRUS EPATITE B [HBV] ANALISI QUALITATIVA DI HBV DNA. Incluso: estrazione, amplificazione, rilevazione	1	41,85 □	41,85 □
<b>HCV QL 788</b>	VIRUS EPATITE C [HCV] ANALISI QUALITATIVA DI HCV RNA. Incluso: estrazione, retrotrascrizione, amplificazione, rilevazione	91.19.3		VIRUS EPATITE C [HCV] ANALISI QUALITATIVA DI HCV RNA. Incluso: estrazione, retrotrascrizione, amplificazione, rilevazione		41,65	
<b>HCV QT 789</b>	VIRUS EPATITE C [HCV] ANALISI QUANTITATIVA DI HCV RNA . Incluso: estrazione, amplificazione, rilevazione	91.19.4		VIRUS EPATITE C [HCV] ANALISI QUANTITATIVA DI HCV RNA . Incluso: estrazione, amplificazione, rilevazione		49,75	
<b>7890 (HCV GENOTIPO)</b>	VIRUS EPATITE C [HCV] TIPIZZAZIONE GENOMICA. Incluso:, estrazione, retrotrascrizione, amplificazione, ibridazione inversa o sequenziamento	91.20.2		VIRUS EPATITE C [HCV] TIPIZZAZIONE GENOMICA. Incluso:, estrazione, retrotrascrizione, amplificazione, ibridazione inversa o sequenziamento		80,7	